

Proje Yöneticisi: Dr.Öğr.Üyesi İSA KAYA

Proje ID: 22172

Proje Kodu: TGA-2020-22172

Proje Başlığı: KOLESTEATOMDA MMP TIMP VE EGFR GEN EKSPRESYON DEĞİŞİKLİKLERİ VE KLİNİK ANALİZİ

Proje Türü: Genel Araştırma Projesi

Proje Özeti:

Kolesteatomlu kronik otit; Subdural apse, Bezold apsesi, fasiyal paralizi, mastoidit, labirentit, labirent fistülü, petrozit gibi ekstrakranial komplikasyonlara ; menenjit, beyin apsesi, subdural ampiyem, epidural apse, lateral sinüs tromboflebiti gibi intrakranial hayati tehdit edici komplikasyonlara sebep olması nedeniyle kulak burun boğaz hastalıkları pratiğinde kulak cerrahisi anlamında önemli bir hastalık grubunu oluşturmaktadır. Çalışmamızda kolesteatomlu kronik otit nedeniyle opere edilen hastalardan kolesteatom doku matriksi ve normal dokudan örnekler alınarak, kolesteatom dokusunda normal dokuya göre kıyasla up-regülasyon ya da down-regülasyon gösteren genlerin saptanması ve analizi yapılarak etyopatogeneze ve klinik seyirde rol oynayabilecek genlerin ortaya konulması, ayrıca “erişkin edinsel”, “pediatrik edinsel”, “konjenital” kolesteatom gibi alt gruplarda genetik faktörlerin klinik seyir üzerine etkilerinin de ortaya konması amaçlanmıştır. Kolesteatomda up-regüle ya da down-regüle olan genler klinik seyirde ve tedavi etkinliğinde belirteç olarak kullanılabilir. Kolesteatom gelişiminde ve agresif destrüktif klinik gidişatında etkili olabilecek MMP, TIMP ve EGFR gibi genlerde up-regülasyon ya da down-regülasyon varlığının gösterilebilmesi, bu genlerin saptanması halinde hayati komplikasyonlara neden olabilen kolesteatom tedavi yönetiminde yeniliklerin gelişmesine olanak sağlayacak ve daha erken tanı ve tedavi anlamında önemli katkıları olması beklenmektedir. Çalışmada kolesteatomlu kronik otit nedeniyle opere edilen hastaların kolesteatom dokularından ve normal bağ cilt dokusundan alınacak örneklerde 16 farklı genin ekspresyon analizi yapılacak ve ekspresyon seviyeleri karşılaştırılacaktır. Kolesteatomlu kronik otitin bu şekilde alt hasta gruplarında farklı genetik özelliklerinin araştırıldığı ve bu genetik faktörlerin klinik üzerine etkilerinin ortaya konduğu bir çalışma olması nedeniyle yüksek düzeyde özgünlük taşımaktadır.